

ФОРМА

списка публикаций соискателя для заполнения
(приложение к Заявлению о приеме диссертации к защите)

СПИСОК

**публикаций, в которых излагаются основные научные результаты диссертации
на соискание ученой степени кандидата физико-математических наук
по специальности 03.01.09 “Математическая биология, биоинформатика”
на тему “Разработка алгоритмов для сборки геномов и транскриптомов”,
опубликованных в рецензируемых изданиях**

Пржибельский Андрей Дмитриевич

Author ID (Scopus) 55210891100
Researcher ID (Web of Science) U-6198-2018
SPIN (РИНЦ) 8365-6162
ORCID 000-0003-2816-4608

№ п/п	Название публикации на языке оригинала	Тип публикации	DOI	Наименование издания	ISSN издания	Группы научных специальностей/ научные специальности, в которых имеет право публиковать журнал	Выходные данные публикации (Номер тома, Номер части тома, Номер журнала, Страницы размещения публикации в журнале)	Объем публикации (лист)*	Соавторы (Ф.И.О.)	Интернет -адрес публикации в журнале	Библиографическая база данных (eLIBRARY, Web of Science, Scopus и др.)	№ публикации в списке литературы диссертации
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
1	ExSPAnDer: a universal repeat resolver for DNA fragment assembly	статья	10.1093/bioinformatics/btu266	Bioinformatics	1367-4803		Том: 30; Номер: 12; Год: 2014; Страницы: I293-I301	9/6	Vasilinets, I., Gurevich, A., Korobeynikov, A., Lapidus, A. and Pevzner, P.A. и еще 4 соавтора.	academic.oup.com/bioinformatics/article-abstract/30/12/i293/384610	eLIBRARY, Web of Science, Scopus	15
2	Assembling short reads from jumping libraries with large insert sizes	статья	10.1093/bioinformatics/btv337	Bioinformatics	1367-4803		Том: 31; Номер: 20; Год: 2015; Страницы: 3262-3268	7/4	Vasilinets, I., Gurevich, A., Korobeynikov, A., Pevzner, P.A.	academic.oup.com/bioinformatics/article/31/20/3262/195494	eLIBRARY, Web of Science, Scopus	16
3	maSPAdes: a de novo transcriptome assembler and its application to RNA-Seq data	статья	10.1093/gigascience/giz100	GigaScience	2047-217X		Том: 8; Номер: 9; Год: 2019; giz100.	13/8	Bushmanova, E., Antipov, D., Lapidus, A.	academic.oup.com/gigascience/article/8/9/giz100/5559527	eLIBRARY, Web of Science, Scopus	17


4	SPAdes: a new genome assembly algorithm and its applications to single-cell sequencing	статья	10.1089/cmb.2012.0021	Journal of computational biology	1066-5277		Том: 19; Номер: 5; Год: 2012; Страницы: 455-477	23/4	Bankevich, A., Nurk, S., Tesler, G., Alekseyev, M.A., Pevzner, P.A. и еще 11 соавторов.	www.liebertpub.com/doi/abs/10.1089/cmb.2012.0021	eLIBRARY, Web of Science, Scopus	8
5	Assembling single-cell genomes and mini-metagenomes from chimeric MDA products	статья	10.1089/cmb.2013.0084	Journal of computational biology	1066-5277		Том: 20; Номер: 10; Год: 2013; Страницы: 714-737	24/4	Nurk, S., Bankevich, A., R., Tesler, G., Alekseyev, M.A., Pevzner, P.A. и еще 13 соавторов.	www.liebertpub.com/doi/abs/10.1089/cmb.2013.0084	eLIBRARY, Web of Science, Scopus	14

Подтверждаю, что все основные научные результаты моей диссертации “Разработка алгоритмов для сборки геномов и транскриптомов” опубликованы в вышеприведенных 5 (пяти) публикациях

В случае необходимости готов предоставить электронные/бумажные тексты публикаций с титульной страницей издания и его выходными данными

Адрес и телефон для связи: andrewprzh@gmail.com, +7-952-229-7848

Дата 23.10.2019

 Прживальский А.Д.